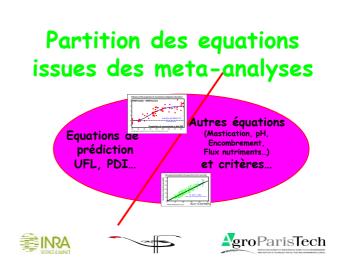
Rappels sur les modifications apportées dans le calcul des valeurs UF et PDI des aliments et des rations

D.SAUVANT(1), avec
P.NOZIERE(2), R.BAUMONT(2) et P.CHAPOUTOT(1)

(1) INRA-AgroParistech, UMR MoSAR, 16 rue C.Bernard, 75231 Paris (2) INRA Theix, UR Herbivores, 63122 5t Genès Champanelle

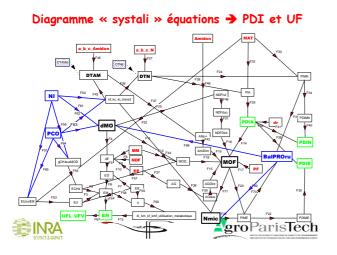


## Méthode de travail 1. Intégration large des résultats de la littérature scientifique (exhaustive des pratiques alimentaires?) 2. Construction de bases de données spécifiques 3. Codages et études des méta-dispositifs 4. Interprétations statistiques par méta-analyses 5. Intégration des équations obtenues ? Evaluation de l'ensemble ?



## Partition des equations is un modèle la mécaniste du rumen et du Tube digestif (D.Sauvant & al)

## Structure compartimentale du modèle RATION NDFD>2mm NDFD<2mm Absorption AGV NDFnD>2mr PRSol -MICROB AMSol PRD -/ NDFnD<2mm PRnD Transfert ou transit Dégradation par les microbes **∆gro**ParisTech **INRA**





Intégration dans le simulateur « Sirar » pour évaluer la cohérence globale et simuler des rations (L. Buoconore & al)

PLAN

1. Digestion dans le rumen

2. Interactions digestives

3. Dégradation des Substrats

- Azote & amidon

- MO fermentée

4. Production de protéines microbiennes

5. La digestion dans les intestins, valeurs PDI

6. Prévision des teneurs en UFL & UFV

AgroParisTech

W BALPRORU » ET ETAT ENERGETIQUE
ET AZOTE DU RUMEN

BalProRu = MAT - MADUO (non NH3)
= MAT - PIA - MAMIC - MAENdo

BalProRu = MAFerm - MAMIC - MAENdo

BalProRu = (PIMN - PIME)/0.8 - 14.2 (« apparent »)

1. Digestion dans le rumen

2. Interactions digestives

3. Dégradation des Substrats

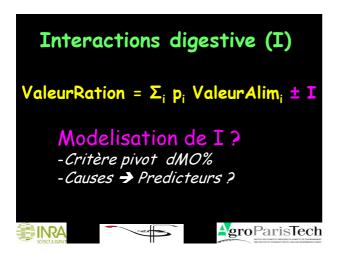
- Azote & amidon

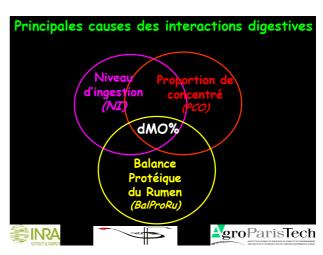
- MO fermentée

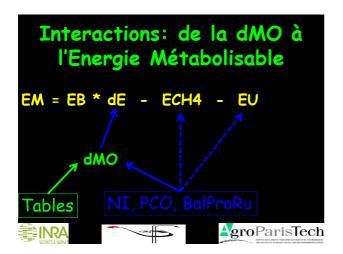
4. Production de protéines microbiennes

5. La digestion dans les intestins, valeurs PDI

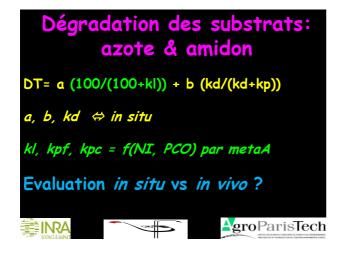
6. Prévision des teneurs en UFL & UFV

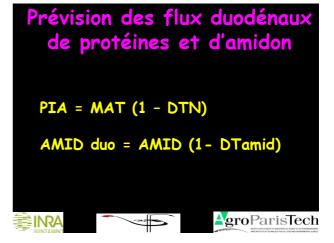


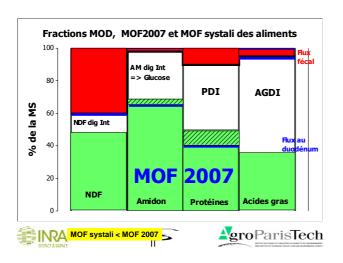










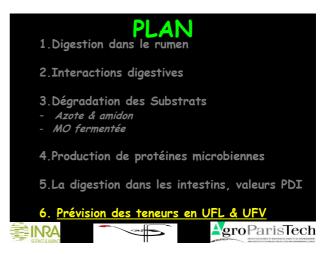


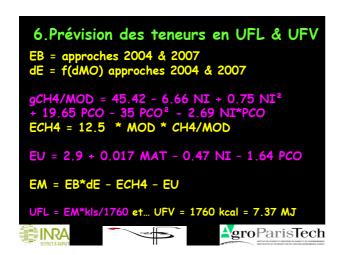












## CONCLUSIONS 1. Large actualisation, nouvelle conception des tables 2. Meilleure intégration des transits → dégradation N & Am 3. Quantification des interactions digestives 4. Nouvelle définition de la MOF 5. Prédiction plus précise de la production des protéines microbiennes 6. Prédiction des rejets CH4 et Nf+Nu 7. Plus simple que les « concurrents »: CNCP5, NorFor, NL AgroParisTech